•短篇论著 •

EBV-DNA、SAA/PCT 对小儿传染性单核细胞增多症的诊断价值*

陈志国1,章 波2,邓良兵1△,金德华3

1. 成都市第五人民医院医学检验科,四川成都 611130;2. 成都市第五人民医院儿科,四川成都 611130;3. 攀枝花市中心医院儿科,四川攀枝花 617067

摘 要:目的 探讨 EB 病毒 DNA(EBV-DNA)载量、淀粉样蛋白 A(SAA)与降钙素原(PCT)比值(SAA/PCT)诊断小儿传染性单核细胞增多症(IM)的价值。方法 选取成都市第五人民医院收治的 86 例 IM 患儿作为研究组,另选取同期在该院体检的 86 例健康儿童作为对照组。比较两组 EBV-DNA 载量、血清 SAA、PCT水平及 SAA/PCT,分析 EBV-DNA 载量、SAA/PCT对 IM 的交互作用以及对 IM 的诊断价值。结果 研究组外周血 EBV-DNA 载量、血清 SAA 水平及 SAA/PCT 高于对照组,PCT水平低于对照组,差异有统计学意义(P<0.05);研究组外周血 EBV-DNA 载量与血清 SAA 水平、SAA/PCT 呈正相关(r=0.709、0.718,均 P<0.001);EBV-DNA 载量高水平与 SAA/PCT 高水平在 IM 中呈正向交互作用(P<0.05);EBV-DNA 载量、SAA/PCT 联合诊断 IM 的曲线下面积(AUC)为 0.919,大于二者单独诊断(P<0.05)。结论 外周血 EBV-DNA 载量与血清 SAA/PCT 联合检测对小儿 IM 有较高的诊断效能。

关键词:传染性单核细胞增多症; EB 病毒; 淀粉样蛋白 A; 降钙素原

DOI: 10. 3969/j. issn. 1673-4130. 2024. 17. 025

文章编号:1673-4130(2024)17-2162-04

中图法分类号:R446.5;R512.7 文献标志码:A

传染性单核细胞增多症(IM)通常由 EB 病毒(EBV)感染所致,典型表现为发热、淋巴结病和扁桃体炎[1-2]。EBV 感染多发于婴幼儿时期,可引起心肌炎、肝功能受损等多种并发症,死亡率达 1%~2%[3]。早期、准确的实验室检测结果对于 IM 诊断、适当治疗和管理至关重要[4]。外周血 EBV-DNA 检测是临床诊断 IM 的常用方法,其 EBV-DNA 载量能准确反映EBV 复制状态,具有较高特异性[5]。淀粉样蛋白 A(SAA)、降钙素原(PCT)是临床诊断感染性疾病的敏感性指标,有研究显示,与 SAA、PCT 单独诊断比较,SAA/PCT 能明显提高对小儿病毒感染性疾病的诊断效能[6-7]。基于此,本研究探讨 EBV-DNA、SAA/PCT 对小儿 IM 的诊断价值。

1 资料与方法

1.1 一般资料 选取 2018 年 1 月至 2022 年 12 月成都市第五人民医院(以下简称本院)收治的 86 例 IM 患儿作为研究组,其中男 50 例,女 36 例;年龄 3 个月至 14 岁,平均(8.75±2.21)岁。研究组纳入标准:(1)符合 IM 诊断标准^[8],并且为初发病例;(2)体格发育正常。根据 1:1 对照原则选取同期在本院体检的 86 例健康儿童作为对照组,其中男 45 例,女 41 例;年龄 3 个月至 14 岁,平均(9.28±2.34)岁。对照组纳入标准:身体健康,体格发育正常。排除标准:(1)结核病、病毒性肝炎等其他感染性疾病;(2)血液系统疾病;(3)恶性肿瘤;(4)重要脏器功能不全;(5)近期有

严重创伤或手术史。本研究通过医院伦理委员会审批[院科伦审:(2017)伦审第(0661)号]。所有受试者监护人知晓本研究,已签署知情同意书。

1.2 方法

- 1.2.1 资料收集及标本采集 收集两组一般资料 (性别、年龄、体重、身高等)。研究组于人院当天采集 空腹静脉血 5 mL,对照组于体检当天采集空腹静脉血 5 mL。
- 1. 2. 2 EBV-DNA 载量检测 取 2 mL 血液标本置于乙二胺四乙酸抗凝管中,采用 7300 型实时荧光定量 PCR 仪(美国应用生物系统公司)及其配套试剂盒检测 EBV-DNA 载量。PCR 扩增条件: 50 ℃ 静置 2 min; 94 ℃预变性 5 min; 94 ℃变性 15 s, 57 ℃变性 31 s,共 10 个循环; 94 ℃变性 30 s,55 ℃变性 45 s,共 30 个循环。阳性判定标准: EBV-DNA 载量 \geq ×10³ copy/mL。
- 1.2.3 血清 SAA、PCT 检测 取 3 mL 血液标本,离心(转速 3 500 r/min,时间 5 min,半径 8 cm)取血清,采用免疫散射比浊法(试剂盒购自北京索莱宝)检测血清 SAA 水平,采用化学发光法(试剂盒购自郑州安图生物)检测血清 PCT 水平。计算 SAA/PCT。
- 1.3 统计学处理 采用 SPSS22.0 软件进行数据分析,计数资料以例数或百分率描述,采用 χ^2 检验。计量资料以 $\overline{x} \pm s$ 描述,采用 t 检验。采用 Pearson 相关系数分析 IM 患儿 EBV-DNA 载量与血清 SAA、PCT

^{*} 基金项目:2020年四川省医学(青年创新)科研课题(S20026)。

[△] 通信作者,E-mail:329054185@qq.com。

水平及 SAA/PCT 的相关性。采用交互作用分析 EBV-DNA 载量、SAA/PCT 对 IM 的影响,采用受试 者工作特征(ROC)曲线获取曲线下面积(AUC)评价 EBV-DNA 载量、SAA/PCT 对 IM 的诊断价值,通过 AUC、净重新分类指数(NRI)和综合判别改善指数 (IDI)分析 EBV-DNA 载量、SAA/PCT 的联合诊断价

值。以 P < 0.05 为差异有统计学意义。

2 结 果

2.1 两组实验室指标比较 研究组外周血 EBV-DNA 载量,血清 SAA 水平及 SAA/PCT 高于对照组,PCT 水平低于对照组,差异均有统计学意义(P<0.05)。见表 1。

		AC 1	75. 10. 10. 10. 10. 10. 10. 10. 10. 10. 10	x = 3	
组别	n	EBV-DNA 载量(×10 ³ copy/mL)	SAA(mg/L)	PCT(mmol/L)	SAA/PCT
研究组	86	7.05±2.32	152.78±46.31	0.15±0.04	1 018.53±271.46
对照组	86	0.71 ± 0.21	62.45 ± 20.27	0.17 ± 0.05	390.31 ± 98.25
χ^2/t		25. 239	16.571	2.059	20.180
P		<0.001	<0.001	0.043	<0.001

表 1 两组实验室指标比较($\overline{x}\pm s$)

2.2 不同 EBV-DNA 载量患儿血清 SAA、PCT 水平及 SAA/PCT 比较 以研究组外周血 EBV-DNA 载量中位水平 7.01×10^3 copy/mL 为分界值, $<7.01 \times 10^3$ copy/mL 为低载量(40 例), $>7.01 \times 10^3$ copy/mL 为高载量(46 例)。高载量与低载量患儿血清 PCT 水平比较,差异无统计学意义(P>0.05);高载量患儿血清 SAA 水平、SAA/PCT 高于低载量患儿,差异均有统计学意义(P<0.01)。见表 2。

表 2 不同 EBV-DNA 载量患儿血清 SAA、PCT 水平及 SAA/PCT 比较 $(\overline{x}\pm s)$

指标	高载量 (n=46)	低载量 (n=40)	t	P	
SAA(mg/L)	175.43±37.61	126.73±32.58	6.370	<0.001	
PCT(mmol/L)	0 . 15±0 . 04	0.15±0.05	0.000	1.000	
SAA/PCT	1 169.53±224.79	844.87±205.36	6.953	<0.001	

2.3 EBV-DNA 载量与血清 SAA, PCT 水平及 SAA/PCT 的相关性 Pearson 相关系数分析显示, 研究组外周血 EBV-DNA 载量与血清 PCT 水平无明

显相关性(r=0.081, P=0.460), 与血清 SAA 水平、SAA/PCT 呈正相关(r=0.709、0.718, 均 P<0.001)。

- 2.4 EBV-DNA 载量、SAA/PCT 对 IM 的交互作用分析 以研究组、对照组外周血 EBV-DNA 载量,血清 SAA/PCT 中位水平 $(3.21 \times 10^3 \text{ copy/mL}, 700.15)$ 为分界值,<分界值为低水平,>分界值为高水平。交互作用分析结果显示,二者均为高水平时,对 IM 的交互作用 OR 为 67.500, γ 为 3.606,且交互作用 OR 大于两单独因素 OR 的乘积,提示 EBV-DNA 载量高水平与 SAA/PCT 高水平在 IM 中呈正向交互作用 (P<0.01)。见表 3。
- 2.5 EBV-DNA 载量、SAA、SAA/PCT 诊断 IM 的价值 ROC 曲线分析结果显示,SAA、EBV-DNA 载量、SAA/PCT 诊断 IM 的 AUC 分别为的 AUC 为0.691、0.791、0.797,EBV-DNA 载量及 SAA/PCT 联合诊断 IM 的 AUC 为 0.919,EBV-DNA 载量、SAA/PCT 联合诊断 IM 的 AUC 大于二者单独诊断的 AUC(Z=3.268、3.113,均 P<0.01),见表 4。

表 3 EBV-DNA 载量、SAA/PCT 对 IM 的交互作。

EBV-DNA 载量	SAA/PCT	CT 研究组 对照组 (n=86) (n=86)		OR (95 % CI)	P	eta_e/eta_{eg}	γ
低水平	低水平	6	45	1.000	_	_	
低水平	高水平	9	21	3.210(1.012~10.208)	0.066	1.168	_
高水平	低水平	12	13	6.923(2.174~22.043)	0.002	1.887	_
高水平	高水平	63	7	67.500(21.254~214.371)	<0.001	4.212	3.606

注:一表示此项无数据。

表 4 EBV-DNA 载量、SAA 及 SAA/PCT 诊断 IM 的价值

指标	AUC	95 % CI	cut-off 值	灵敏度(%)	特异度(%)	P
EBV-DNA 载量	0.791	0.726~0.849	$5.99 \times 10^3 \text{ copy/mL}$	70.93	80.24	<0.001
SAA	0.691	0.617~0.759	145.01 mg/L	62.79	80.23	<0.001

续表 4 EBV-DNA 载量、SAA 及 SAA/PCT 诊断 IM 的价值

指标	AUC	95 % CI	cut-off 值	灵敏度(%)	特异度(%)	P
SAA/PCT	0.797	0.729~0.854	980.98	68.60	80.23	<0.001
EBV-DNA 载量联合 SAA/PCT	0.919	0.868~0.955	_	81.40	90.71	<0.001

注:一表示此项无数据。

3 讨 论

EBV 是一种嗜淋巴细胞病毒,是导致 IM 的病原体,中国人群血清学中 EBV 阳性率高达 95%以上^[9]。 且我国儿童 IM 发病率可达 60%,多呈轻型或隐性感染,临床症状类型较多,临床诊疗较困难^[10-11]。

EBV 抗体检测是临床诊断 IM 的常规方法,但 EBV 血清学反应较复杂,且部分患儿 EBV 抗体出现 延迟,甚至无 EBV 抗体出现[12-13]。EBV-DNA 裁量 也是 IM 诊断的重要检测项目,既往研究指出,IM 患 儿外周血 EBV-DNA 载量明显高于健康儿童,诊断小 儿 IM 的灵敏度较好,可作为小儿 IM 早期诊断的标 志物[14]。本研究也发现 IM 患儿外周血 EBV-DNA 载量明显升高,其诊断小儿 IM 的 AUC 在 0.7 以上, 具有一定诊断效能,与上述研究结果基本一致。分析 其原因在于, EBV-DNA 载量是反映 EBV 感染和复 制情况的重要指标,EBV 侵入人体后会与 B 淋巴细 胞受体结合,随后进行增殖、复制,随着病毒增殖、复 制能力增强, EBV-DNA 载量逐渐升高, 检测 EBV-DNA 载量可评估宿主对病毒清除能力和病毒复制能 力之间的平衡状况,从而对疾病及病情程度进行诊断 和评估[15-16]。但单独应用 EBV-DNA 载量诊断小儿 IM 的诊断效能仍不尽理想,需要与其他方法联合。

本研究发现,IM 患儿血清 SAA 水平明显高于健 康儿童,提示血清 SAA 异常上调可能与 IM 的发生有 关。SAA 是临床诊断细菌和病毒感染的敏感性标志 物,由肝脏中激活的巨噬细胞和成纤维细胞合成,其 含量在急性感染早期(3~6 h)迅速增加,感染第 3 d 达到峰值[17-18]。本研究显示,IM 患儿血清 SAA 水平 与外周血 EBV-DNA 载量呈正相关关系。说明随着 IM 患儿体内 EBV 增殖、复制能力增强,血清 SAA 水 平逐渐升高。刘文田等[19]研究显示,IM 患儿早期血 清 SAA 水平明显升高,且与外周血 EBV-DNA 载量 呈正相关。与本研究结果一致,但本研究中,血清 SAA 水平对小儿 IM 的诊断效能较差,单独诊断的价 值不高。PCT 是细菌感染诊断的常用标志物,其中正 常人体内水平极低,当机体发生细菌感染后,脂多糖 等可诱导甲状腺神经内分泌 C 细胞大量、迅速分泌 PCT,并释放入血液循环,引起血清 PCT 水平明显升 高[20-21],但在病毒感染患者体内 PCT 不会发生明显 升高[22]。本研究结果发现,IM 患儿血清 PCT 水平几 乎不受 EBV-DNA 载量影响,说明 PCT 在 IM 患儿血 清中相对稳定,单独检测其水平不具备诊断价值;但 IM 患儿血清 PCT 水平低于健康儿童,提示其水平变 化与 IM 有一定关系,于是本研究新增 SAA/PCT 用 于诊断小儿 IM,结果显示 IM 患儿 SAA/PCT 明显高于健康儿童,并且与 EBV-DNA 载量呈正相关,其诊断小儿 IM 的 AUC 在 0.7 以上,可作为小儿 IM 早期诊断的新指标。

此外,本研究结果还发现,在 IM 发生诊断中,EBV-DNA 载量高水平与 SAA/PCT 高水平呈正向交互作用,说明 EBV-DNA 载量和 SAA/PCT 增加能共同促进 IM 的发生。通过 ROC 曲线分析发现,EBV-DNA 载量、SAA/PCT 联合诊断 IM 的 AUC 明显高于二者单独诊断,提示 EBV-DNA 载量、SAA/PCT 联合可为临床诊断小儿 IM 提供更准确参考依据。但本研究仍存在一定不足,未动态监测外周血EBV-DNA、血清 SAA/PCT 变化情况,二者随小儿 IM 病情进展的变化趋势尚未明确,未来工作中仍需进一步研究分析。

综上所述,小儿 IM 外周血 EBV-DNA 载量升高, 血清 SAA/PCT 增大,二者在小儿 IM 发生中呈正向 交互作用,并且联合检测可为临床诊断小儿 IM 提供 参考依据。

参考文献

- [1] GOTTWALD F E, BOGNER J R. Infectious mononucleosis [J], MMW Fortschr Med, 2021, 163 (Suppl 3); S52-S58,
- [2] 韩响,洪嘉蕴,马钰,等. 儿童浆细胞瘤并发 EBV 感染病例的临床病理学特征和相关分析[J]. 现代检验医学杂志,2022,37(2):28-32.
- [3] 章婷婷,金速速,陈华乐,等. EB病毒 DNA 载量在传染性 单核细胞增多症中的应用价值[J]. 温州医科大学学报, 2022,52(1);57-60.
- [4] NAUGHTON P, HEALY M, ENRIGHT F, et al. Infectious mononucleosis: diagnosis and clinical interpretation [J]. Br J Biomed Sci, 2021, 78(3):107-116.
- [5] SHI T. HUANG L. LUO L. et al. Diagnostic value of serological and molecular biological tests for infectious mononucleosis by EBV in different age stages and course of the disease[J]. J Med Virol, 2021, 93(6):3824-3834.
- [6] SUI Y D,XIN W N,FENG L L. Comparison of the clinical application values of PCT,hs-CRP and SAA detection in the early diagnosis of sepsis[J]. Pak J Med Sci, 2020, 36(7):1683-1687.
- [7] 高杨,刘燕丽,蒋瑾瑾. SAA、PCT、CRP 及 SAA/PCT 比值对婴幼儿感染性疾病的诊断价值[J/CD]. 中国医学前沿杂志(电子版),2019,11(3):115-118.
- [8] 胡亚美. 诸福棠实用儿科学[M]. 8 版. 北京:人民卫生出版社,2015:916-919.
- [9] 叶子茵,肖书渊,赵景民,等. 肠道 EB 病毒感染组织检测和病理诊断共识[J]. 中华消化杂志,2019,39(7):433-

437.

- [10] 黄璐. EB 病毒感染儿童的临床特征与实验室检查结果分 析[J]. 中国医学创新,2020,17(15):148-152.
- [11] 林珊,郭三平,江心怡,等. 异型淋巴细胞、EB病毒及 TLR7 联合检测在儿童传染性单核细胞增多症中的诊断 价值[]]. 检验医学与临床,2023,20(1):32-35.
- [12] 刘秀静,陈华乐,余坚,等. 新型 EB 病毒全自动核酸定量 检测系统在儿童传染性单核细胞增多症快速诊断中的价 值[J]. 中华全科医学,2021,19(7):1191-1195.
- [13] 田军. EB 病毒 DNA 检测与儿童传染性单核细胞增多症 相关性研究[J]. 中国优生与遗传杂志,2020,28(9):1146-
- [14] 韩冬梅,乐原. 传染性单核细胞增多症患儿 EB 病毒 DNA 载量与免疫指标及白细胞计数和血沉水平相关性分析 [I]. 陕西医学杂志,2022,51(7):882-885.
- [15] YANG Y, HUA C Z. Multianatomical site EBV DNA testing could facilitate the diagnosis of infectious mononucleosis in children-comment on "Diagnostic value of serological and molecular biological tests for infectious mononucleosis by EBV in different age stages and course of disease"[J], J Med Virol, 2021, 93(11): 6077-6078.
- 「16] 张蔷,方庆丰,杨志,等.传染性单核细胞增多症儿童外周 血 EB病毒 DNA、IL-2 及 IL-6 水平的检测价值分析[J]. 中国实验血液学杂志,2022,30(4):1262-1266.

- 「17] WHITE M R, HSIEH I N, DE LUNA X, et al. Effects of serum amyloid protein A on influenza A virus replication and viral interactions with neutrophils[J]. J Leukoc Biol, 2021,110(1):155-166.
- [18] CHENG L, YANG J Z, BAI W H, et al. Prognostic value of serum amyloid A in patients with COVID-19[J]. Infection, 2020, 48(5): 715-722.
- 「19」刘文田,唐芳华,刘玉花,等.血清 TNF-α、SAA、ADA 对 儿童 EBV 相关传染性单核细胞增多症的诊断价值研究 [J]. 河北医科大学学报,2021,42(4):470-473.
- [20] NUUTILA J, HOHENTHAL U, OKSI J, et al. Rapid detection of bacterial infection using a novel single-tube, four-colour flow cytometric method: comparison with PCT and CRP[J]. EBioMedicine, 2021, 74(1): 103724.
- 「21〕朱超超,张格艳, 血常规联合 C 反应蛋白、降钙素原检测在 儿童传染性单核细胞增多症与化脓性扁桃体炎鉴别诊断 中的价值[J]. 临床医学研究与实践,2021,6(19):110-112.
- [22] LI Y, MIN L, ZHANG X. Usefulness of procalcitonin (PCT), C-reactive protein (CRP), and white blood cell (WBC) levels in the differential diagnosis of acute bacterial, viral, and mycoplasmal respiratory tract infections in children [I]. BMC Pulm Med, 2021, 21(1):386.

(收稿日期:2024-01-12 修回日期:2024-05-15)

• 短篇论著 •

血清 SDC-1、TNC 与多发伤患者病情严重程度的关系及 对 MODS 的预测效能研究*

范家伟,康 超,马友运,张 波,许泰瑞△ 聊城市第二人民医院急诊医学科,山东聊城 252600

要:目的 探讨多发伤患者血清多配体蛋白聚糖-1(SDC-1)、肌腱蛋白 C(TNC)与病情严重程度的关 系及对多器官功能障碍综合征(MODS)的预测效能。方法 选取该院 2021 年 7 月至 2023 年 5 月收治的 94 例 多发伤患者作为研究对象,根据患者损伤严重度评分(ISS)分为轻度、中度和重度组,分别为 28、34、32 例,根据 MODS 标准将患者分为发生组(34例)和未发生组(60例)。采用酶联免疫吸附试验检测各组血清 SDC-1、TNC 水平, Spearman 法分析多发伤患者血清 SDC-1、TNC 与 ISS 评分的相关性, 受试者工作特征(ROC) 曲线分析 SDC-1、TNC 对多发伤患者发生 MODS 的预测价值。结果 重度组患者血清 SDC-1、TNC 水平和 ISS 评分、白 细胞计数(WBC)、血红蛋白(Hb)、降钙素原(PCT)、血乳酸(Lac)高于中度组和轻度组(P < 0.05),中度组患者 血清 SDC-1、TNC 水平和 ISS 评分、WBC、Hb、PCT、Lac 高于轻度组(P<0.05)。多发伤患者血清 SDC-1 和 TNC 水平与 ISS 评分均呈正相关(r=0.477,0.592,均 P<0.05)。 MODS 发生组患者血清 SDC-1、TNC 水平 高于未发生组(P < 0.001)。血清 SDC-1、TNC 联合预测多发伤患者发生 MODS 的曲线下面积为 0.960,优于 二者单独预测。结论 多发伤患者血清 SDC-1 和 TNC 水平与患者病情严重程度有关,二者联合检测对多发伤 患者发生MODS具有良好的预测价值。

关键词:多发伤; 多配体蛋白聚糖-1; 肌糖蛋白-C; 多器官功能障碍综合征 **DOI:** 10. 3969/j. issn. 1673-4130, 2024, 17, 026 中图法分类号: R446.1; R641 文献标志码:A

文章编号:1673-4130(2024)17-2165-05

由机械致伤因子作用下导致的同时或相继累及两个

多发伤是临床中常见的多部位损伤疾病,主要是

基金项目:山东省医药卫生科技发展计划(202004131289)。

通信作者, E-mail: rumiz8524@163. com。